

FavorPrep™ Endotoxin-Free Plasmid Extraction Maxi Plus Kit

Cat: FAPMX 002 (2 回分) / FAPMX 010-EF (10 回分)

本製品は研究用です

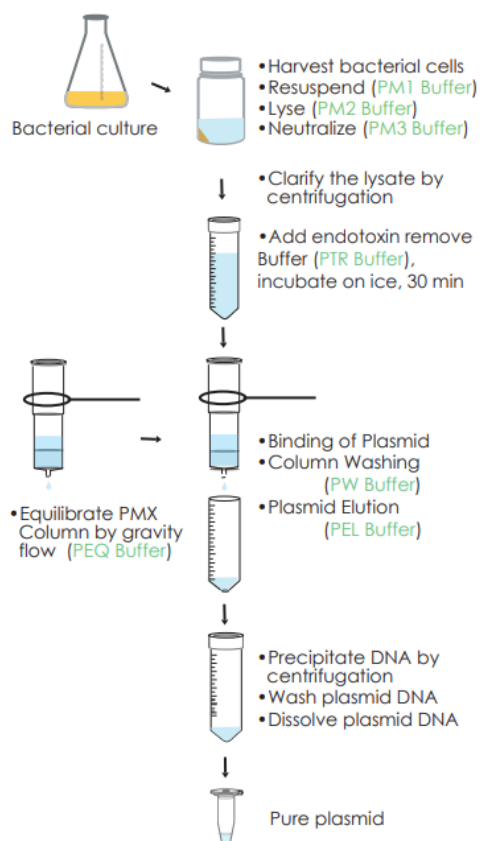
v 202309

📌 キットの内容

	FAPMX 002 (2 preps)	FAPMX 010-EF (10 preps)
PEQ Buffer	30 ml	135 ml
PM1 Buffer*	42 ml	215 ml
PM2 Buffer	42 ml	215 ml
PM3 Buffer	42 ml	215 ml
PTR Buffer	12 ml	55 ml
PW Buffer	65 ml	270 ml+60 ml
PEL Buffer	32 ml	215 ml
RNase A Solution	100 μ l	480 μ l
PMX Column	2 pcs	10 pcs
*添加する RNase A 量		
PM1 Buffer	84 μ l	430 μ l

📌 基本情報

構成	陰イオン交換樹脂カラム
ライセートの清澄化	遠心法
サンプル量	120~240 ml (high-copy number/low-copy number)
プラスミドサイズ	3 kbp~150 kbp
結合量	1.5 mg/Maxi Column



🚩 重要事項

- 1) RNase A はお客様の手元に届き次第、 -20°C で保存してください。
- 2) PM1 Buffer に RNase A を加えてください。十分に混和し、PM1 Buffer を 4°C で保管してください。
- 3) PM2 Buffer に沈殿物が見られる場合、 37°C の湯せんで Buffer を温めて沈殿物を溶かしてください。
- 4) 操作前に PM3 Buffer を 4°C に冷やしてください。

🚩 用意するもの

- 1) 50 ml チューブ
- 2) 冷却機能付き高速遠心機 ($\geq 5,000 \times g$) と遠心チューブ
- 3) イソプロパノール
- 4) 70%エタノール
- 5) TE Buffer もしくは ddH₂O

🚩 操作 ※操作前に「重要事項」をよくお読みください。

培養細菌の回収

1. 4°C 、 $4,500 \sim 6,000 \times g$ で 10 分間遠心分離し、培養細菌を回収します。上清は捨てます。

PMX Column の平衡化

2. PMX Column を廃液容器の上方に固定します。
3. 10 ml の PEQ Buffer を加えます。カラムが空になるまで静置して平衡化し、ろ液は捨てます。

細胞溶解とライセートの中和

4. 16 ml の PM1 Buffer (RNase A 添加) を加え、細胞をピペティングかボルテックスで再懸濁させます。
5. 16 ml の PM2 Buffer を加え、5 回ほど転倒混和します。
* DNA の剪断を防ぐため、ボルテックスはしないでください。
6. ライセートが透明になるまで室温で 5 分間インキュベートします。
7. 16 ml の冷やした PM3 Buffer を加え、すぐに 10~15 回ほど転倒混和します。(ボルテックスはしないでください)

メモ: ライセートが最適な濃度か確認してください。PM1, PM2, PM3 の Buffer 量は培養液量によって増やす必要があります。

例) 培養液量 120~240 ml : PM1 16 ml, PM2 16 ml, PM3 16 ml

培養液量 240~480 ml : PM1 32 ml, PM2 32 ml, PM3 32 ml

PM1 Buffer 中でペレットが完全に懸濁されていることを確認してください。

PM2 Buffer と PM3 Buffer の添加後、サンプル溶液を十分に混ぜてください。

ライセートの清澄化 および エンドキシンの除去

- 4°C、 $\geq 5,000 \times g$ で 20 分間遠心分離します。(15,000~20,000 $\times g$ で 15 分間が望ましい)
* 上清に浮遊物が残っている場合は、新しい 50 ml チューブに移してこの操作を繰り返してください。
- 上清を新しい 50 ml チューブへ移します。
- 5 ml の PTR Buffer を加えてピペティングで混和し、氷上で 30 分間インキュベートします。サンプル混合物が透明になったことを確認してください。

プラスミド DNA の結合

- 上清を平衡化した PMX Column に移します。自然落下させ、ろ液は捨てます。

PMX Column の洗浄

- 30 ml の PW Buffer を PMX Column に加えます。自然落下させ、ろ液は捨てます。

溶出

- PMX Column を新しい 50 ml チューブ（お客様でご用意ください）に取り付けます。15 ml の PEL Buffer を加え、自然落下させてプラスミドを溶出します。

プラスミド DNA の沈殿

- 溶出液に対し 0.75 倍の室温のイソプロパノールを加え、10 回転倒混和します。
例) 15 ml の溶出液に 11.25 ml のイソプロパノールを加える。
- 4°C、 $\geq 5,000 \times g$ で 30 分間遠心分離します。(15,000~20,000 $\times g$ で 20 分間が望ましい)
メモ: 遠心分離前に、溶出液とイソプロパノールが十分に混和していることを確認してください。

プラスミド DNA の洗浄と溶解

- 上清を取り除き、ペレット化したプラスミドを 5 ml の室温の 70%エタノールで洗浄します。
- 4°C、 $\geq 5,000 \times g$ で 10 分間遠心分離します。
- 上清を取り除き、ペーパータオル上で 3 分間チューブを反転させ、残留エタノールを除去します。その後、完全に乾くまでペレット化したプラスミドを風乾（もしくは 70°C で 10 分間インキュベート）させます。
- ペレット化したプラスミドを適量 ($\geq 300 \mu\text{l}$) の TE Buffer または ddH₂O に溶解させます。
メモ: 上清を取り除く際、DNA ペレットと一緒に取り除かないように注意してください。
ペレット化したプラスミドが遠心チューブに軽く付着していることを確認してください。
ペレット化したプラスミドをチューブから取り除いてしまった場合は、沈殿工程（ステップ 14 以降）を繰り返してください。
DNA が完全に溶解されていることを確認してから、濃度を測定してください。

✚ トラブルシューティング

DNA の収量が少ない	
培養細菌が完全に溶解していない	<ul style="list-style-type: none"> ・菌濃度が濃すぎる場合があります。 ・PM3 Buffer を添加後、転倒混和で沈殿物を溶解すると回収量を改善できます。 ・DNA が十分に沈殿していない、または沈殿後十分に回収されていない。 ・DNA ペレットが少量で溶解するのに不十分。
精製した DNA がその後のアプリケーションで正しく機能しない	
RNA が混入している	<ul style="list-style-type: none"> ・PM1 Buffer に RNase A が添加されていることを確認してください。 ・RNase A Solution は-20°Cで保管してください。 ・細菌濃度が高濃度の場合、サンプル量を減らしてください。
ゲノム DNA が混入している	<ul style="list-style-type: none"> ・過剰の細胞を使用しないでください。 ・PM2 Buffer および PM3 Buffer の添加後は、ボルテックスせずに混和してください。 ・5 分以上、溶解（ステップ 6）を行わないでください。
ペレット化したプラスミドに過剰な塩が含まれている	<ul style="list-style-type: none"> ・ペレット化したプラスミドを 70%エタノールで 2 回洗浄してください。